

General Description

DNA pentr_gus_verA

Entire molecule length: 3841 bp

Restriction Map

Enzyme	# of cuts	Positions
Acil	28	418(c) 496(c) 554(c) 658 883(c) 920(c) 943 1024 1123(c) 1327(c) 1480 1513(c) 1652(c) 1830 1919(c) 1950 1966(c) 2017 2153(c) 2244 2272 2399 2418 2539 2649(c) 2784 2793(c) 3767(c)
AcsI	3	1875 3573 3757
AflIII	5	824 1522 1540 1784 2199
AluI	10	73 79 1410 2047 2149 2367 2457 2503 2760 2925
Alw44I	3	1162 1487 2513
AlwI	9	95 305 893 1942 2760(c) 2846(c) 2848 3116(c) 3511
AlwNI	2	1071 2615
Apal	1	98
ApaLI	3	1162 1487 2513
ApoI	3	1875 3573 3757
Asel	2	1177 3173
AsnI	2	1177 3173
AspHI	3	1166 1491 2517
AsuII	1	1322
AvaI	2	91 3772
Avall	1	231
BanII	2	98 3723
BbvI	12	60(c) 88 470(c) 755 1272(c) 1751(c) 1964(c) 2031 2528(c) 2618 2621 2827
Bcgl	4	72(c) 1125(c) 1302(c) 1986(c)
BclI	1	318
BfaI	4	80 917 2150 2694
BmyI	5	98 1166 1491 2517 3723
BsaAI	2	613 1132
BsaBI	3	884 1729 1823
BsaJI	6	227 773 791 2359 3097 3499
BsaWI	5	1040 1467 2405

		2552 3235
BsgI	1	1750(c)
BsiEI	3	1950 2539 3376
BsiHKA1	3	1166 1491 2517
BsiYI	13	964 1047 1440 1787 2023 2152 2221 2239 2405 2684 3114 3131 3463
BsII	13	964 1047 1440 1787 2023 2152 2221 2239 2405 2684 3114 3131 3463
BsmAI	2	52(c) 3354(c)
BsmFI	2	936 2919(c)
BsmI	3	286(c) 3415 3492
Bsp120I	1	94
Bsp1286I	5	98 1166 1491 2517 3723
BspHI	3	11 1113 2919
BspMI	2	831(c) 1561
BspWI	15	73 480 807 951 1161 1416 1510 1888 1910 1994 2252 2824 3419 3633 3665
BsrDI	3	43 163 2079(c)
BsrFI	1	3416
BsrGI	4	182 1349 1775 2054
BsrI	14	649 841 909 1104 1189 1249 1514 1685 1998 2607 2620 2732(c) 2961(c) 3585(c)
BstBI	1	1322
BstNI	8	371 774 1701 2227 2348 2361 3126 3483
BstUI	19	302 340 440 808 826 1031 1419 1504 1524 1542 1832 1844 1913 1946 2246 2827 3372 3717 3767
BstYI	5	87 1934 2840 2851 3121
CfoI	18	340 440 810 1389 1419 1506 1852 1913 2379 2446 2546 2720 2829 2931 3352 3422 3439 3661
Cfr10I	1	3416
Csp45I	1	1322
Csp6I	8	183 610 1208 1350

		1678 1776 2055 3538
DdeI	4	1379 2474 2883 3354
DpnI	16	89 299 320 386 887 1549 1601 1841 1936 2767 2842 2853 2861 3123 3375 3505
DpnII	16	87 297 318 384 885 1547 1599 1839 1934 2765 2840 2851 2859 3121 3373 3503
Drall	1	95
DrdI	1	2307
Dsal	2	227 791
DsaV	15	353 369 598 660 772 957 1699 1759 2225 2346 2359 2577 3124 3481 3498
EaeI	1	848
EarI	4	1226(c) 1352(c) 1790(c) 3558(c)
Eco57I	2	1250 2747
EcoNI	1	3461
EcoO109I	1	95
EcoRII	8	369 772 1699 2225 2346 2359 3124 3481
EcoRV	2	786 1017
Esp3I	1	3354(c)
Fnu4HI	18	74 77 484 555 744 1286 1653 1765 1967 1978 2020 2244 2399 2542 2607 2610 2816 3768
FnuDII	19	302 340 440 808 826 1031 1419 1504 1524 1542 1832 1844 1913 1946 2246 2827 3372 3717 3767
FokI	5	1024(c) 1649 2129(c) 3126 3732(c)
HaeII	2	1853 2447
HaeIII	13	67 96 278 470 850 1195 1699 2214 2225 2243 2677 3287 3770
HgaI	12	807 815(c) 975(c) 1020(c) 1531(c) 1545(c) 1548 1585

		1821(c) 1833(c) 2310 2888
HgiAI	3	1166 1491 2517
HhaI	18	340 440 810 1389 1419 1506 1852 1913 2379 2446 2546 2720 2829 2931 3352 3422 3439 3661
HinP1I	18	338 438 808 1387 1417 1504 1850 1911 2377 2444 2544 2718 2827 2929 3350 3420 3437 3659
HincII	2	834 1368
HindII	2	834 1368
Hinfl	10	734 939 1142 2174 2570 3141 3147 3232 3404 3460
HpaII	15	354 599 661 731 958 1041 1468 1760 2406 2553 2579 2769 3236 3417 3499
HphI	19	609(c) 681 780(c) 807 868 948 973 1281 1455 1542(c) 1725(c) 1819(c) 1873 2020 3086(c) 3206(c) 3250 3446(c) 3525
ItaI	18	74 77 484 555 744 1286 1653 1765 1967 1978 2020 2244 2399 2542 2607 2610 2816 3768
Ksp632I	4	1226(c) 1352(c) 1790(c) 3558(c)
MaeI	4	80 917 2150 2694
MaeII	7	425 612 1131 1151 1753 2902 3782
MaeIII	18	40 126 341 498 579 795 817 987 1420 1921 2109 2555 2618 2734 2965 3222 3517 3609
MamI	3	884 1729 1823
MboI	16	87 297 318 384 885 1547 1599 1839 1934 2765 2840 2851 2859 3121 3373 3503
MboII	9	1129 1243 1369 1807 1929(c) 2709

		2861 3464(c) 3575
McrI	3	1950 2539 3376
MfeI	1	359
MluI	3	824 1522 1540
MluNI	1	850
MnII	13	958 1221 1312 1353(c) 1905 2020(c) 2307(c) 2381 2631(c) 3092(c) 3192 3559(c) 3781
MscI	1	850
MseI	13	203 209 380 722 1076 1177 1298 1403 2905 2977 3173 3382 3761
MsiI	5	775 793 1118 1267 1783
MspA1I	2	2541 2786
MspI	15	354 599 661 731 958 1041 1468 1760 2406 2553 2579 2769 3236 3417 3499
MunI	1	359
MvaI	8	371 774 1701 2227 2348 2361 3126 3483
MvnI	19	302 340 440 808 826 1031 1419 1504 1524 1542 1832 1844 1913 1946 2246 2827 3372 3717 3767
MwoI	15	73 480 807 951 1161 1416 1510 1888 1910 1994 2252 2824 3419 3633 3665
NciI	7	355 600 662 959 1761 2579 3500
NcoI	1	227
NdeII	16	87 297 318 384 885 1547 1599 1839 1934 2765 2840 2851 2859 3121 3373 3503
NheI	2	79 2149
NlaIII	16	15 87 231 715 805 1117 1261 1788 1814 2001 2203 2923 3221 3526 3641 3753
NlaIV	5	96 97 1194 2231 2270

NruI	3	302 1946 3717
NsiI	2	3262 3528
NspI	3	805 1788 2203
NspV	1	1322
PaeR7I	1	3772
PfiMI	1	3114
PleI	2	2578 3141(c)
Ppu10I	2	3258 3524
PstI	1	78
PvuI	1	3376
RcaI	3	11 1113 2919
RsaI	8	184 611 1209 1351 1679 1777 2056 3539
Sau3AI	16	87 297 318 384 885 1547 1599 1839 1934 2765 2840 2851 2859 3121 3373 3503
Sau96I	5	65 94 95 231 1193
ScrFI	15	355 371 600 662 774 959 1701 1761 2227 2348 2361 2579 3126 3483 3500
SfaNI	16	387(c) 483(c) 555 870(c) 1046 1110(c) 1226(c) 1271 1725 2296 3017 3328 3448 3535 3670 3754
Sfcl	4	74 239 2464 2655
SfuI	1	1322
SnaBI	1	613
Snol	3	1162 1487 2513
SspBI	4	182 1349 1775 2054
Sspl	2	1498 3449
StyI	1	227
TaqI	10	272 491 1145 1241 1322 1532 2299 3004 3407 3773
TfiI	8	734 939 1142 2174 3141 3232 3404 3460
Thal	19	302 340 440 808 826 1031 1419 1504 1524 1542 1832 1844 1913 1946 2246 2827 3372 3717 3767
Tru9I	13	203 209 380 722 1076 1177 1298 1403 2905 2977 3173 3382 3761
Tsp509I	13	146 314 359 411

